

Tuesday, March 13, 2012

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
11:00 – 11:30	Opening Ceremony				
11:30 – 12:30	Opening Lecture Chair: Iris Pigeot, Ronja Foraita Keynote Kevin R. Coombes Cell Lines, Chemotherapy Response, and the Need for Reproducible Research				
12:30 – 14:00	Lunch Break				
14:00 – 15:30	<p>KS 1: Unbiased Estimation and Clinical Relevance in Clinical Trials Chair: Joachim Röhmel</p> <p>Adjusting for Selection Bias in Single-Blinded Randomized Controlled Clinical Trials Kennes, Lieven</p> <p>Nachweis statistischer Signifikanz und klinischer Relevanz beim Vergleich von Überlebenszeiten Gondan, Matthias; Kieser, Meinhard</p> <p>The (Little) Need for and the (Large) Impact of Post Hoc Application of Formal Criteria to Check Clinical Relevance in Well Conducted RCTs Vach, Werner; Beryl, Primrose</p> <p>Bewertung von Evidenz nach GRADE in der frühen Nutzenbewertung von Medizinprodukten Vonthein, Reinhard; Ziegler, Andreas</p>	<p>Bioinformatik 1 Chair: Tim Beissbarth, Holger Fröhlich</p> <p>Integrative Analysis of Breast Cancer: Dissecting Heterogeneity in Samples and Signals Markowetz, Florian (IS)</p> <p>Hidden Markov Models for the Modeling of Branching Processes: Analysis of Single Cell Fluorescence Microscopic Time Lapse Movies Tresch, Achim; Failmezger, Henrik</p> <p>Automated Classification of Cell Populations with Multi-Channel Flow Cytometry Data – Challenges in Mapping a Sparsely Populated Data Space Nietert, Manuel; Wagner, Steve</p> <p>Survival Models with Preclustered Gene Groups as Covariates Kammers, Kai; Lang, Michel; Hengstler, Jan G.; Schmidt, Marcus; Rahnenführer, Jörg</p>	<p>Confounder-Kontrolle in Beobachtungsstudien Chair: Ronja Foraita, Jürgen Wellmann</p> <p>Inferring Effects of Dynamic Treatments from Observational Data Didelez, Vanessa (IS)</p> <p>Counteracting Bias when Analysing Rare Binary Outcome: Experiences from Prospective Cohort Studies of Pregnancy Allignol, Arthur; Meister, Reinhard</p> <p>Zwei-Phasen Designs zur Berücksichtigung zusätzlicher Confounder-Information in pharmakoepidemiologischen Datenbankstudien Behr, Sigrid; Schill, Walter; Pigeot, Iris</p> <p>A Discussion of Estimators of the Odds Ratio Drake, Christiana; Loux, Travis</p>	<p>Nichtparametrische Statistik 1 Chair: Markus Neuhäuser</p> <p>The Wild Bootstrap for the Aalen-Johansen Estimator of the Cumulative Incidence Function of a Competing Risk Di Termini, Susanna; Beyersmann, Jan; Paulv Markus Resampling methods for paired data Pauly, Markus (IS); Konietzschke, Frank</p> <p>Various Approaches for the Comparison of Two Diagnostic Tests Regarding Sensitivity and Specificity Rieck, Daniela; Zapf, Antonia</p> <p>Resampling Verfahren für Konfidenzintervalle Konietzschke, Frank</p>	<p>Validierung 1 Chair: Anne-Laure Boulesteix</p> <p>Reproducible Computational Research: A Perspective Eugster, Manuel</p> <p>Validating Statistical Algorithms on High Performance Computing Clusters - Methods Bischi, Bernd; Lang, Michel; Mersmann, Olaf; Rahnenführer, Jörg; Weihs, Claus</p> <p>Validating Statistical Algorithms on High Performance Computing Clusters - Applications Lang, Michel; Bischi, Bernd; Rahnenführer, Jörg</p> <p>Integration of (Epi-)Genomic and Gene Expression Data in Bayesian Variable Selection Models: Investigating the Influence of Model Setup and Priors Zucknick, Manuela; Pfister, Stefan; Benner, Axel</p>
15:30 – 16:00	Coffee Break				

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
16:00 – 17:30	<p>KS 2: Sample Size</p> <p>Chair: Christoph Gerlinger</p> <p>Auswertung und Fallzahlberechnung in Dosis-Findungs-Studien mit aktiver Kontrolle Helms, Hans-Joachim; Benda, Norbert; Friede, Tim</p> <p>Robustheit verschiedener Ansätze zur verblindeten Fallzahlanpassung für klinische Studien mit Zähldaten Schneider, Simon; Schmidli, Heinz; Friede, Tim</p> <p>Evaluation of Sample Size Adaptation Rules in Clinical Studies Aiming at an Overall Performance Optimization Englert, Stefan; Kieser, Meinhard</p>	<p>Bioinformatik 2</p> <p>Chair: Achim Tresch, Klaus Jung</p> <p>Using Random Forests for Probability Estimation Kruppa, Jochen</p> <p>Sparse Principal Component Analysis using Stability Selection Sill, Martin; Benner, Axel</p> <p>Graph Based Fusion of miRNA and mRNA Expression Data Gade, Stephan, Porzeliuss, Christine, Fälth; Maria, Brase; Jan C.; Wuttig, Daniela; Kuner, Ruprecht; Binder, Harald; Sültmann, Holger; Beißbarth, Tim</p> <p>Joint Bayesian Inference of Condition Specific miRNA and Transcription Factor Activities from Combined Gene and microRNA Expression Data Zacher, Benedikt; Abnaof, Khalid; Gade, Stephan; Younesi, Erfan; Tresch, Achim; Fröhlich, Holger</p>	<p>Didaktik</p> <p>Chair: Geraldine Rauch</p> <p>Lohnt sich der Einsatz von aktivierenden Methoden bei der Biometrieausbildung von Studierenden der Molecular Life Science? Ein randomisierter, kontrollierter Vergleich Hemmelmann, Claudia; Ziegler, Andreas</p> <p>Haribo macht Dozenten froh und Studenten ebenso Kunz, Cornelia Ursula (IS); Rauch, Geraldine</p> <p>Statistik für Anwender - Die Quadratur des Kreises? Hasler, Mario</p> <p>Grundbegriffe, Verständnis, Methoden-anwendung - Wieviel Mathematik braucht eine Biometrie für Nichtbiometriker? Merkel, Hubert</p>	<p>Nichtparametrische Statistik 2</p> <p>Chair : Frank Konietzschke</p> <p>The Problem of Zero Inflated Datasets: Comparing Test Procedures within an Application in Parasitology Zeimet, Ramona; Ruddat, Inga; Kreienbrock, Lothar</p> <p>Analytic Tools for Modelling Phenotypic Variation in Agricultural Experiments Schnabel, Sabine; Eilers, Paul; van Eeuwijk, Fred</p> <p>A Bivariate Cumulative Probit Model for the Analysis of Neuronal Data Furche, Julia; Kneib, Thomas; Kretzberg, Jutta</p> <p>Ein Algorithmus zur Bestimmung der Regressionsfunktion in Modellen mit monotoner Regressionsfunktion und ordinalskalierten abhangiger Variablen Krumm, Bertram</p>	<p>Validierung 2</p> <p>Chair : Martin Schumacher</p> <p>Validierung in Genetischen Assoziationsstudien König, Inke R.</p> <p>Generalization of Biomedical Results – from Iterative Validation to Meta-Analysis Rahnenfuhrer, Jorg</p> <p>Added Predictive Value of High-Throughput Molecular Data to Clinical Data, and its Validation Boulesteix, Anne-Laure; Sauerbrei, Willi</p> <p>Stability Investigations of Multivariable Regression Models Derived from Low and High Dimensional Data Sauerbrei, Willi; Boulesteix, Anne-Laure; Binder, Harald</p>
17:30 - 19:00	Poster and Wine (Beuth Halle)				

Wednesday, March 14, 2012

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
09:00 – 10:30	<p>KS 3: Zusatznutzen gemäss AMNOG</p> <p>Chair: Joachim Röhmel</p> <p>Statistische Herleitung einer Responder-Definition für die Reduktion von Hitzewallungen Gerlinger, Christoph; Hiemeyer, Florian; Schmelter, Thomas</p> <p>Zusatznutzen: Wie wird das Ausmaß bei der Nutzenbewertung quantifiziert? Hauschke, Dieter</p> <p>Überblick und Vergleich von Methoden zur Bewertung der klinischen Relevanz von Studienergebnissen Kieser, Meinhard</p> <p>Bestimmung des Ausmaßes des Zusatznutzen in der frühen Nutzenbewertung- erste Beispiele Leverkus, Friedhelm</p>	<p>Survival 1</p> <p>Chair: Jan Beyersmann</p> <p>Regression Modeling of the Cumulative Incidence Function with Missing Causes of Failure Using Pseudo-Observations Latouche, Aurelien (IS); Moreno-Betancur, Margarita</p> <p>Log-normal Frailty Models Fitted as Poisson Generalized Linear Mixed Models Hirsch, Katharina; Wienke, Andreas; Kuß, Oliver</p> <p>A Modelling Strategy to Analyse 1-Year Survival in a Cohort of Patients with Severe Cutaneous Adverse Reactions (SCARs) Sekula, Peggy; Schumacher, Martin; Mockenhaupt, Maja</p> <p>Time-to-Event Data: A Different Angle by Population Evolution Charts And New Statistical Tests Moecks, Joachim; Koehler, Walter</p>	<p>Young Statisticians</p> <p>Chair: Tina Müller, Benjamin Hofner</p> <p>Segmentation of Fluorescence Microscopy Time Series Herrmann, Sabrina; Ickstadt, Katja; Fried, Roland; Schäfer, Martin; Verveer, Peter; Thorwirth, Franziska</p> <p>Model-Based Recursive Partitioning in Cox's Proportional Hazards Model with Adjustment for Measurement Error Birke, Hanna</p> <p>Comparing Biodiversity by Simultaneously Testing a User-Defined Selection of Diversity Indices Pallmann, Philip</p> <p>Auswahl einer Teststatistik für genetische Assoziation in Fall-Kontroll-Studien Holste, Theresa</p> <p>Eine Methode Zur Charakterisierung von Randomisierungsverfahren Malsch, Carolin</p>	<p>Nichtklinische Statistik 1</p> <p>Chair: Richard Vonk</p> <p>Bayesian Nonparametric Learning from High-Dimensional Data Dunson, David (IS, 40 Min.)</p> <p>Model Selection Procedures under Order Restriction - An Alternative to Related Multiple Test Procedures? Hothorn, Ludwig; Kuiper, Rebecca</p> <p>Quantitative Assessment of Interactions Between Biologically Active Agents Stanzel, Sven; Bayer, Helene</p>	<p>Hochdimensionale Globaltests 1</p> <p>Chair: Edgar Brunner, Klaus Jung</p> <p>Relaxing the Null Hypothesis of Global Tests Goeman, Jelle (IS)</p> <p>Multivariate Tests of Marginal Effects in General Models and Arbitrary Dimension Meister, Reinhard</p> <p>Global Testing for Complex Ordinal Data Jelizarow, Monika; Mansmann, Ulrich</p> <p>Simulation of High-Dimensional Categorical Data Mansmann, Ulrich; Jelizarow, Monika</p>
10:30 – 11:00	Coffee Break				

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
11:00 – 12:30	<p>KS 4: Clinical Trial Statistics and Beyond: From a Statistician to a Drug Developer</p> <p>Chair: Vivian Lanius</p> <p>Framing a Problem Burman, Carl-Fredrik (IS)</p> <p>The Evolving Role of Statisticians in Drug Development Heimann, Guenter</p> <p>Comparing Recruitment Strategies by Discrete Event Simulation Kulmann, Hermann; Siedentop, Harald</p> <p>Estimation of Treatment Effects in Adaptive Clinical Trials Glimm, Ekkehard</p>	<p>Survival 2</p> <p>Chair: Andreas Wienke</p> <p>Multiple Time Scales in Modelling the Incidence of Hospital Infections Wolkewitz, Martin; Cooper, Ben; Barnett, Adrian; Di Termini, Susanna; Alvarez-Lerma, Francisco; Olaechea, Pedro; Palomar, Mercedes; Schumacher, Martin</p> <p>Incubation Period and Back Projection for the EHEC O104:H4 Outbreak in Germany, 2011 Höhle, Michael; Wadl, Maria</p> <p>Correlated Infections: Quantifying Individual Heterogeneity in the Spread of Infectious Diseases Unkel, Steffen; Farrington, C. Paddy; Whitaker, Heather J.; Pebody, Richard</p> <p>Fitting Bivariate Event Times with the Correlated Frailty Model Pietzner, Diana; Wienke, Andreas</p>	<p>Cloud Computing</p> <p>Chair: Harald Binder</p> <p>Parallel Computing at the IMBE Erlangen - Infrastructure, Solutions and Applications Potapov, Sergej; Adler, Werner</p> <p>Application of Microarray Analysis on Computer Cluster and Cloud Platforms Bernau, Christoph</p> <p>Kosten und Nutzen einer Public Cloud für eine Biometrie-Abteilung, illustriert an einem Permutationsansatz Knaus, Jochen</p> <p>Cloud Computing für die Lebenswissenschaften mit cloudnumbers.com v. Petersdorff-Campen, Moritz</p>	<p>Nichtklinische Statistik 2</p> <p>Chair: Ludwig Hothorn</p> <p>A Unified Framework for Benchmark Dose Estimation Applied to Model Averaging and Mixed Models Ritz, Christian (IS); Gerhard, Daniel; Hothorn, Ludwig A. (35 Min.)</p> <p>Recent Advances in the Analysis of Comet Assay Data Geys, Helena Margareta (IS, 35 Min.)</p> <p>Stochastic Modeling, Simulation and Statistical Analysis of Drug Interactions in Combination Therapies for Chronic Hepatitis C Chung, Tje Lin; Herrmann, Eva</p>	<p>Hochdimensionale Globaltests 2</p> <p>Chair : Jelle Goeman, Ulrich Mansmann</p> <p>Modified Huynh-Feldt Correction for Unequal Covariance Matrices Placzek, Marius; Brunner, Edgar</p> <p>Global Testing on Incomplete Expression Profiles from Gel-Based Proteomics Experiments Jung, Klaus</p> <p>High- and Low-Dimensional Global Tests for Repeated Measures Brunner, Edgar; Ellenberger, David</p> <p>High- and Low-Dimensional Repeated Measures: Improved Approximations Ellenberger, David</p>
12:30 – 14:00	Lunch Break	Podiumsdiskussion "Quo vadis - Biometrieförderung der DFG"			

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
14:00 – 15:30	Verleihung der Nachwuchspreise der IBS-DR Chair: Katja Ickstadt		Analytische Modelle in der Medizin Chair : Willi Sauerbrei Anwendung von Hotelling's T²-Statistik zum Vergleich von zwei diagnostischen Tests in Meta-Analysen Beckmann, Lars; Sieben, Wiebke; Bender, Ralf Multivariable fraktionelle Polynome für korrelierte abhängige Variablen unter der Verwendung von verallgemeinerten Schätzgleichungen Vens, Maren; Stolpmann, Jördis; Hemmelmann, Claudia; Ziegler, Andreas Modeling Continuous Predictors with a 'Spike' at Zero: Issues in Univariate and Multivariable Model Building with Procedures Based on Fractional Polynomials Jenkner, Carolin; Lorenz, Eva; Becher, Heiko; Sauerbrei, Willi Information Approximations and Experimental Designs in Nonlinear Mixed Effects Models Mielke, Tobias	Genetische Statistik Chair: Inke König, Norbert Reinsch Genetic Additive and Dominance Effects on Bovine Milk Metabolites Wittenburg, Dörte; Melzer, Nina; Repsilber, Dirk; Reinsch, Norbert Evaluating Componentwise Boosting for SNP Data from a Clinical Cohort Study Hieke, Stefanie; Benner, Axel; Schlenk, Richard F.; Schumacher, Martin; Bullinger, Lars; Binder, Harald Detection of Single Nucleotide Variations in Proteomic Mass Spectrometry Data Giese, Sven; Zickmann, Franziska; Renard, Bernhard Explicit Calculation of the Mean Summary Statistic's Joint Null Distribution in a Toy Case Gene Set Test Fuchs, Mathias	
15:30 – 16:00	Coffee Break				
16:00 – 18:00	IBS-DR General Assembly				
19:00 - ...	Conference Dinner (Invalidenstr. 42, Thaersaal)				

Time	Haus Bauwesen, D E37
11:00 - 15:00	Schülersession Chair: Geraldine Rauch, Barbara Peil

Thursday, March 15, 2012

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
09:00 – 10:30	<p>KS 5: Non-Inferiority Trials and Multiple Testing</p> <p>Chair: Werner Brannath, Joachim Röhmel</p> <p>Choice of Non-Inferiority Margin: Current Practices and Their Impact on the Risk to Accept Inferior Treatments Beryl, Primrose; Vach, Werner</p> <p>Tests and Sample Size Calculations for Non-Inferiority Trials with Poisson Distributed Count Data Stucke, Kathrin; Kieser, Meinhard</p> <p>Group Sequential Designs for Three-Arm 'Gold-Standard' Non-Inferiority Trials Schlömer, Patrick; Brannath, Werner</p> <p>Adjusting for Multiple Testing by Using Multivariate Meta-Analysis and Closed Testing Procedures Großelfinger, Robert; Bender, Ralf</p>	<p>Gemischte Modelle in Landwirtschaft und Medizin 1</p> <p>Chair: Hans-Georg Schön</p> <p>On the Akaike Information Criterion and Mixed Models Greven, Sonja (IS); Kneib, Thomas (40 Min.)</p> <p>Spatial P-splines and Mixed Models in Agricultural Trials Eilers, Paul; van Eeuwijk, Fred</p> <p>Berücksichtigung von räumlichen Kovarianz-Strukturen in landwirtschaftlichen Feldversuchen – Untersuchungen zur Einhaltung des nominalen Fehlers 1. Art und zur Power von t- und F-Test Richter, Christel; Kroschewski, Bärbel</p>	<p>Bayessche Verfahren 1</p> <p>Chair: Jochem König</p> <p>bamdit: An R package for Bayesian Meta-Analysis of Diagnostic Test Data Verde, Pablo Emilio (IS); Sykosch, Arnold</p> <p>Validierung von Diagnostetests zur Anwendung in Tierpopulationen – auch hier das Problem des fehlenden Goldstandards! Greiner, Matthias</p> <p>Variational Bayes Approximations in Geoadditive Quantile Regression Waldmann, Elisabeth; Kneib, Thomas</p> <p>Weakly Informative Priors for Pharmaceutical Dose-Response Trials Bornkamp, Björn</p>	<p>Education for Statistics in Practice 1</p> <p>Chair: Stephanie Roll, Christoph Muysers</p> <p>Analysis of Survival Data with the Cox Model, and Beyond Andersen, Per Kragh (IS)</p>	<p>Fallzahlplanung</p> <p>Chair : Rainer Muche</p> <p>Innovative Methoden und Anwendungen zur Fallzahlplanung für klinische Studien Kieser, Meinhard</p> <p>Planning and Evaluating Clinical Trials with Composite Time-to-First-Event Endpoints in a Competing Risk Framework Rauch, Geraldine; Beyersmann, Jan</p> <p>Welche Tierversuche erfordern welche Fallzahlplanung - empirische Erfahrungen der Fallzahlplanung in Niedersachsen Kreienbrock, Lothar; Kudinov,Sergej</p> <p>Konzept und Erfahrungen des Deutschen Krebsforschungszentrums in der Planung von Tierversuchen im Regierungsbezirk Karlsruhe Edler, Lutz; Holland-Letz, Tim; Kopp-Schneider, Annette</p>
10:30 – 11:00	Coffee Break				

Time	Haus Grashof, Beuth Saal (C16)	Haus Bauwesen, H1 (D 101)	Haus Bauwesen, H2 (D 102)	Haus Bauwesen, H3 (D 117)	Haus Bauwesen, H5 (D 136)
11:00 – 12:30	<p>KS 6: Meta-Analysis and Non-Randomized Clinical Trials</p> <p>Chair: Dieter Hauschke</p> <p>Der Einsatz von Prädiktionsintervallen bei Meta-Analysen mit zufälligen Effekten Grouven, Ulrich; Bender, Ralf; Skipka, Guido</p> <p>Einfluss von Netzwerkgröße und Inkonsistenz auf die Ergebnisse von Netzwerk Meta-Analysen Bender, Ralf; Sturtz, Sibylle</p> <p>Randomisierte Phase II Studien ohne Vergleich? Lautenschläger, Christine; Parsche, Juliane; Leicht, Jakob; Wienke, Andreas</p> <p>Ein Plädoyer für kontrollierte nicht-randomisierte Studien Gaus, Wilhelm; Muche, Rainer</p>	<p>Gemischte Modelle in Landwirtschaft und Medizin 2</p> <p>Chair: Oliver Kuß</p> <p>A Hitchhiker's Guide to Mixed Models for Randomized Experiments Piepho, Hans-Peter (IS, 40 Min.)</p> <p>Modelling the Mean and Covariance Structure for Continuous Bounded Longitudinal Data Akacha, Mouna</p> <p>Modellwahl, Bias und Coverage in der bivariaten Meta-Analyse Sieben, Wiebke; Beckmann, Lars; Bender, Ralf</p>	<p>Bayessche Verfahren 2</p> <p>Chair: Gerhard Nehmiz</p> <p>Bayesian Nowcasting During the EHEC/HUS Outbreak in Germany, 2011 an der Heiden, Matthias; Höhle, Michael</p> <p>Bayesian Estimation of a Disease Transmission Model Based on Ordinary Differential Equations: Rotavirus in Germany 2001-2009 Weidemann, Felix; Dehnert, Manuel; Koch, Judith; Höhle, Michael</p> <p>Spatial Modelling of Ras Protein Structures on the Cellular Membrane Schäfer, Martin; Verveer, Peter; Ickstadt, Katja</p> <p>Die geplante klinische Studie PREVENT-JIA zur Validierung eines Biomarkers bei Juveniler Idiopathischer Arthritis – Bayes-Ansätze zur Nutzung von unterschiedlichem Vorwissen bei der Analyse von Überlebenszeiten Gerß, Joachim; Wulffraat, Nico; Wedderburn, Lucy R.; Ruperto, Nicolino; Wittkowski, Helmut; Frosch, Michael; Föll, Dirk</p>	<p>Education for Statistics in Practice 2</p> <p>Chair: Stephanie Roll, Christoph Muysers</p> <p>Analysis of Survival Data with the Cox Model, and Beyond Andersen, Per Kragh (IS)</p>	<p>Variable Selection and Regularization</p> <p>Chair: Jörg Rahnenführer</p> <p>Monotonicity-Constrained Regression: An Application to Species Distribution Models Hofner, Benjamin</p> <p>Elastic SCAD as a Novel Penalization Method for SVM Classification and Feature Selection Tasks in High-Dimensional Data Becker, Natalia; Benner, Axel</p> <p>Predictive Biomarkers: Treatment-by-Marker Interaction in High-Dimensional Data Werft, Wiebke; Fischer, Martina; Benner, Axel</p> <p>Efficiency of Regularized Regression Methods for Genomic Selection Ogut, Joseph O.; Schulz-Streeck, Torben; Piepho, Hans-Peter</p>
12:30 – 13:00	Coffee Break				
13:00 – 14:00	<p>Closing Lecture</p> <p>Chair: Lothar Kreienbrock Keynote Suzan Fiack</p> <p>Unsicherheit: Herausforderungen bei der Kommunikation von gesundheitlichen Risiken an den aktuellen Beispielen Dioxin, EHEC und Antibiotika</p>				